

Stațiunea de Cercetare - Dezvoltare pentru Creșterea Bovinelor Arad
Postul: Cercetător științific gr. III

Candidat: MIZERANSCHI ALEXANDRU EUGENIU

LISTA DE LUCRĂRI

1. TEZA DE DOCTORAT

1. „*Multiscale modelling and simulation in systems biology*”, susținută în data de **7.10.2016** la University of Ulster în Coleraine, Irlanda de Nord. Coordonator: Prof. Werner Dubitzky. Diplomă de doctor în științe, recunoscută la Ministerul Educației Naționale ca **diplomă de doctor în domeniul informatică**.

2. ARTICOLE ÎN EXTENSO ÎN REVISTE COTATE ISI

1. Mihali, C.V., Petrescu, C.M., Ciolacu-Ladasiu, C.F., Mathe, E., Popescu, C., Bota, V., **Mizeranschi, A.E.**, Ilie, D.E., Neamț, R.I. and Turcus, V., **2022**. Assessing Phenotypic Variability in Some Eastern European Insular Populations of the Climatic Relict *Ilex aquifolium* L. *Plants*, 11(15), p.2022. **Impact factor 2022: 4.658**.
2. Pogurschi, E.N., Petcu, C.D., **Mizeranschi, A.E.**, Zugravu, C.A., Cîrnatu, D., Pet, I. and Ghimpețeanu, O.M., **2022**. Knowledge, Attitudes and Practices Regarding Antibiotic Use and Antibiotic Resistance: A Latent Class Analysis of a Romanian Population. *International Journal of Environmental Research and Public Health*, 19(12), p.7263. **Impact factor 2022: 4.614**.
3. Ilie, D.E., **Mizeranschi, A.E.**, Mihali, C.V., Neamț, R.I., Goilean, G.V., Georgescu, O.I., Zaharie, D., Carabaș, M. and Huțu, I., 2021. Genome-Wide Association Studies for Milk Somatic Cell Score in Romanian Dairy Cattle. *Genes*, 12(10), p.1495. **Impact factor 2021: 3.96**.
4. Segorbe D., Wilkinson D., **Mizeranschi A.E.**, Hughes T., Aaløkken R., Vachova L., Palkova Z., Gilfillan G.D., **2018**. An optimized FAIRE procedure for low cell numbers in yeast. *Yeast*, 35(8):507-512. DOI: 10.1002/yea.3316. ISSN: 0749-503X. **Impact factor 2018: 2.3**.
5. Maršíková J., Wilkinson D., Hlaváček O., Gilfillan G.D., **Mizeranschi A.E.**, Hughes T., Begany M., Rešetárová S., Váňková L., Palková Z., **2017**. Metabolic differentiation of surface and invasive cells of yeast colony biofilms revealed by gene expression profiling. *BMC Genomics*, 18(814). DOI: 10.1186/s12864-017-4214-4. ISSN: 1471-2164. **Impact factor 2017: 3.730**.
6. **Mizeranschi A.E.**, Scona R., Fazilleau Q., Swain M., Bosak B., Piontek T., Kopta P., Thompson P., Dubitzky W., **2016**. MultiGrain/MAPPER: A distributed multiscale computing approach to modeling and simulating gene regulation networks. *Future Generation Computer Systems*, 63. DOI: 10.1016/j.future.2016.04.002. ISSN: 0167-739X. **Impact factor 2016: 3.997**.
7. **Mizeranschi A.E.**, Zheng H., Thompson P., Dubitzky W., **2015**. Evaluating a common semi-mechanistic mathematical model of gene-regulatory networks. *BMC Systems Biology*, 9 (Suppl 5). DOI: 10.1186/1752-0509-9-S5-S2. ISSN: 1752-0509. **Impact factor 2015: 3.565**.
8. Borgdorff J., Ben Belgacem M., Bona-Casas C., Fazendeiro L., Groen D., Hoenen O., **Mizeranschi A.E.**, Suter J.L., Coster D., Coveney P.V., Dubitzky W., Hoekstra A.G., Strand P., Chopard B., **2014**. Performance of distributed multiscale simulations. *Philosophical Transactions of the Royal Society A: Mathematical, Physical and Engineering Sciences* 372(2021). DOI: 10.1098/rsta.2013.0407. ISSN: 1364-503X. **Impact factor 2014: 2.147**.

3. ARTICOLE ÎN EXTENSO PUBLICATE ÎN VOLUMELE PRINCIPALELOR CONFERINȚE INTERNAȚIONALE DE SPECIALITATE

1. **Mizeranschi, A.E.**, Mihali, C.V., Neamț, R.I., Carabaș, M. and Ilie, D.E., **2019**. Distributed bioinformatics analyses on an SGE cluster, for variant calling on bovine whole-genome sequencing samples. 2019 IEEE International Conference on Advanced Scientific Computing (ICASC) (pp. 1-6). IEEE.
2. **Mizeranschi, A.E.**, Kennedy, N., Thompson, P., Dubitzky, W., **2014**. A multi-model reverse-engineering algorithm for large gene regulation networks. *Proceedings of BIBM 2014*, 510–514. DOI: 10.1109/BIBM.2014.6999212.
3. **Mizeranschi, A.E.**, Kennedy, N., Thompson, P., Zheng, H., Dubitzky, W., **2014**. The influence of network topology on reverse-engineering of gene-regulatory networks. *Procedia Computer Science* 29(0), 410–421. DOI: 10.1016/j.procs.2014.05.037.
4. Kennedy, N., **Mizeranschi, A.E.**, Thompson, P., Zheng, H., Dubitzky, W., **2013**. Reverse engineering of gene regulation models from multi-condition experiments. *The 10th annual IEEE Symposium on Computational Intelligence in Bioinformatics and Computational Biology, 2013 (CIBCB 2013)*, 112–119. DOI: 10.1109/CIBCB.2013.6595396.

4. BREVETE

1. Metodă de analiză dublu-sens a secvențelor ADN pentru gena CSN2 cu scopul identificării vacilor care produc lapte de tip A2A2. Autori: Mihali Ciprian Valentin, Ilie Daniela Elena, Neamț Radu Ionel, **Mizeranschi Alexandru Eugeniu**. Nr. OSIM A/00628/15.10.2021.

2. Metodă precoce și non-invazivă de previzionare a riscului de apariție a distociilor în baza elementelor biometrale ale ascendenței pe linie maternă în scopul asigurării bunăstării în efectivele de vițeii. Autori: Neamț Radu Ionel, Ilie Daniela Elena, Mihali Ciprian Valentin, **Mizeranschi Alexandru Eugeniu**, Săplăcan Silviu Ilie, Neciu Florin Cristian. Nr. OSIM A/00653/28.10.2021.

5. CĂRȚI

1. **Mizeranschi, A.E.**, Groen, D., Borgdorff, J., Hoekstra, A.G., Chopard, B., Dubitzky, W., **2016**. Anatomy and physiology of multiscale modeling and simulation in systems medicine. In Schmits U. et al., Systems biology for medicine, Springer, 2016, pp. 375-404. DOI: 10.1007/978-1-4939-3283-2. ISBN: 978-1-4939-3283-2.

6. CAPITOLE DE CĂRȚI

1. **Mizeranschi, A.E.**, Groen, D., Borgdorff, J., Hoekstra, A.G., Chopard, B., Dubitzky, W., **2016**. Anatomy and physiology of multiscale modeling and simulation in systems medicine. In Schmits U. et al., Systems biology for medicine, Springer, 2016, pp. 375-404. DOI: 10.1007/978-1-4939-3283-2. ISBN: 978-1-4939-3283-2.

Data,
26.01.2023

Întocmit,
Dr. Mizeranschi Alexandru Eugeniu